



1	MATRSPGVVISDDEPGYDLDLFCIPNHYAEDLERVFIPHGLIMDRTERLARDVMKE : .. . : : : : . : : :	56
1	MATRSPGVVIMDDWPGYDLNLFTYPQHYYGDLEYVLIPHGIIVDRIERLAKDIMKD	56
57	MGHHHIVALCVLKGGYKFFADLLDYIKALNRNSDRSIPMTVDFIRLKSYCNDQSTG : . .: :.. .: : . .	112
57	IGYSDIMVLCVLKGGYKFCADLVEHLKNISRNSDRFVSMKVDFIRLKSYRNDQSMG	112
113	DIKVIGGDDLSTLTGKNVLIVEDIIDTGKTMQTLLSLVRQYNPKMVKVASLLVKRT :..: : . . : : . : . . :	168
113	EMQIIGGDDLSTLAGKNFLIVEDVVGTGRTMKALLSIEKYKPNMIKVASLLVKRT	168
169	PRSVGYPDFVGFEIPDKFVVGYALDYNEYFRDLNHVCVISETGKAKYKA . : : . . : 	218
169	SRSRGFRPDYAGFEIPHLFVVGYALDYNEYFRDLNHICVINEHG	212

FIG. 2